

Figure 1

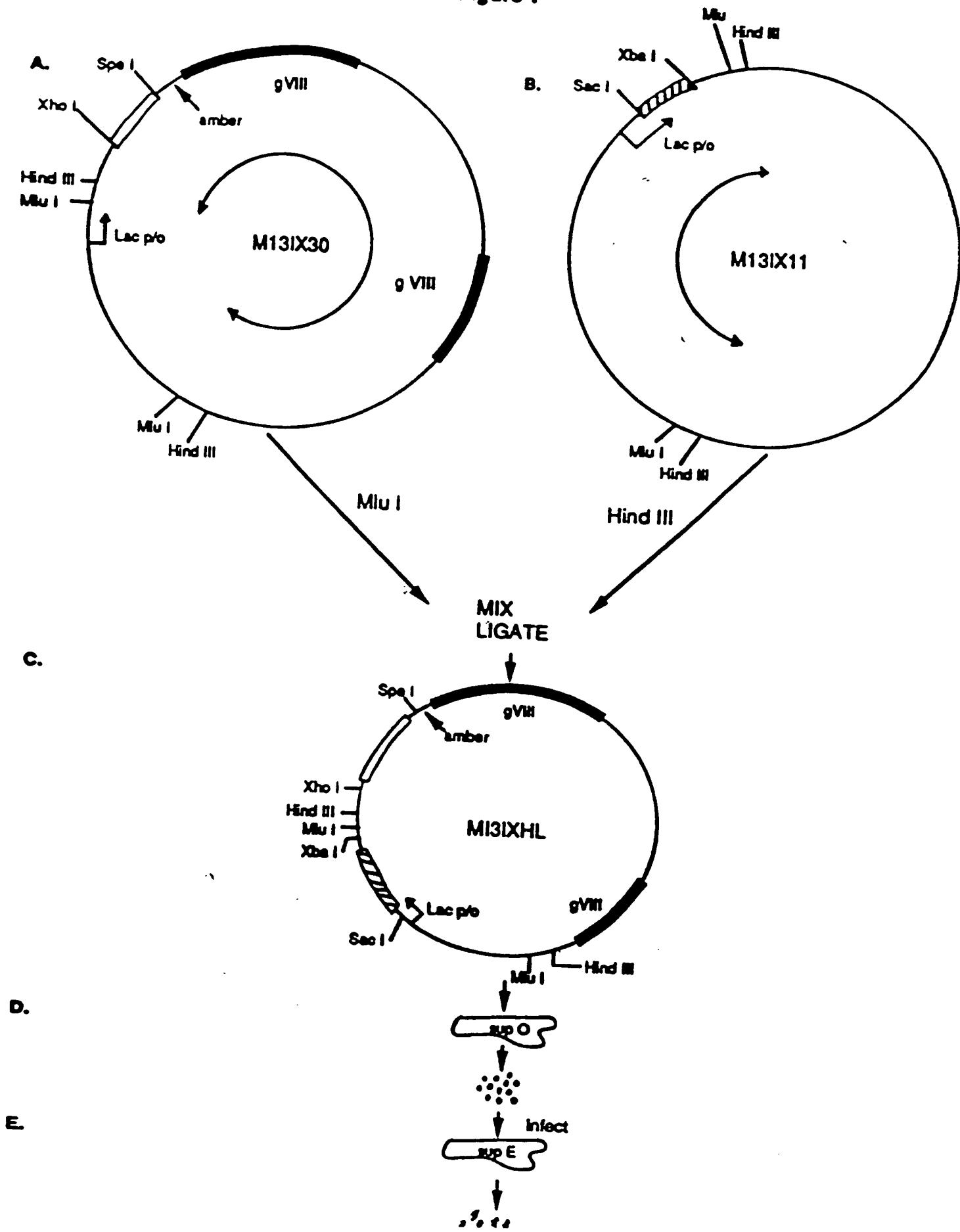


FIGURE 2-1

M13X30

1	10	1	20	1	30	1	40	1	50	1	60
1	AATCCCTACTA	CTATTACTAG	AATTGATGCC			ACCTTTTCAG	CTCCCCCCCC	AAATGAAAAT	60		
61	ATAGCTAAAC	AGGTTATGCA	CCATTGGCGA			AATGTATCTA	ATCGCTAAAC	TAATCTACT	120		
121	CGTTCCAGA	ATTGGGAATC	AACTGTTACA			TGGAATGAA	CTTCCAGACA	CCGTACTTTA	180		
181	CTTCCATATT	TAACCATGT	TGACCTACAG			CACAGAATC	ACCAATTAAAG	CTCTAAGCCA	240		
241	TCTCCAAAAA	TGACCTCTTA	TCAAAGGAG			CAATTAAGG	TACTCTCTAA	TCCTGACCTG	300		
301	TTGGAGTTG	CTTCCCGCT	GGTCCGTTT			GAAGCTCGA	TTAAACCGCG	ATATTGAAAG	360		
361	TCTTCCGGC	TTCCCTCTAA	TCTTTTCTGAT			CCAAATCCGCT	TTCTTCTGA	CTATAATAGT	420		
421	CAGGGTAAG	ACCTGATTTT	TGATTTATGG			TCATTCTCGT	TTTCTGAAC	TTTAAAGCA	480		
481	TTTACGGGG	ATTCATGAA	TATTTATGAC			GATTCGGAG	TATTCGACCG	TATCCAGTCT	540		
541	AAACATTTA	CTATTACCC	CTCTGGCAA			ACTTCTTTG	CAAAGGCTC	TCGGTATTTT	600		
601	CGTTTTATC	CTGCTCTGGT	AAACGAGGT			TATGATAGT	TTGCTCTAC	TATGCCCTCGT	660		
661	AATTCCTTT	GGCGTTATG	ATCTGCATTA			CTTGAATGTC	GTATCCCTAA	ATCTCAACTG	720		
721	ATGAATCTT	CTACCTGAA	TAATGTTGTT			CCGTTAGTC	TTTCTATTAA	CTAGATTTT	780		
781	TCTCCCAAC	GTCCCTGACTG	GTATAATGAG			CCAGTTCTA	AAATCCATA	ACGTAAATTCA	840		
841	CAATGATTAA	AGTTGAAATT	AAACCATCTC			AAGCCCAATT	TACTCTGT	TCTGGTGT	900		
901	CTCGTCAGGG	CAAGCTTAT	TCACTGAATG			AGCACCTTG	TTACGTTGAT	TTGGGTAATG	960		
961	AATATCCGGT	TCTTGTCAAG	ATTACTCTTG			ATGAAGCTA	GCCACGCTAT	GGCCCTGGTC	1020		
1021	TGTACACCGT	TCATCTGTCC	TCTTCAAG			TTGGTCACTT	CCGCTCCCTT	ATGATTGACC	1080		
1081	GTCTGGCCCT	CGTTCCGGT	AACTAACATC			GAGCAGCTG	CGGATTTGGA	CACAATTAT	1140		
1141	CAGGGCATGA	TACAAATCTC	CGTTGACTT			TGTTTCCGCG	TTGCTATAAT	CCCTGGGGT	1200		
1201	CAAAAGATGAG	TGTTTATGTC	TATTCTTTCG			CCTCTTCCGT	TTTACGTTGG	TCCCTTCCGA	1260		
1261	GTGGCATTAC	GTATTTTAC	CGTTTAATGCG			AAACTCTCTC	ATGAAAAGT	TTTAGTCTT	1320		
1321	CAAAAGCTCT	GTAGCCGTTG	CTACCCCTGT			TCCGATGCTG	TCTTCCGTC	CTGAGGGTGA	1380		
1381	CGATCCCGCA	AAAGCGGCT	TTAACCTCT			GCAACCTCA	CGGACCGAA	ATATCGGTTA	1440		
1441	TGGGTGGGG	ATGGTTGTTG	TCATTGTCGG			CGCAACTATC	GTATCAAGC	TGTTTAAGAA	1500		
1501	ATTCACCTCG	AAACCAAGCT	GATAAACCGA			TACAAATTAA	GGCTCCCTTT	GGACCCCTTT	1560		
1561	TTTTTGGAGA	TTTCACGTT	CAAAMMATT			TTATTCGAA	TTCTTTAGT	TGTTCTTTT	1620		
1621	TATTCCTACT	CCGCTAAC	TGTTGAAAGT			TGTTTACAA	AAACCCATAC	AGAAAATTCA	1680		
1681	TTTACTAACG	TCTGGAAAGA	CGACAAAATC			TTAGATGTT	ACGCTAACTA	TGAGGTTGT	1740		
1741	CTGTCGAATG	CTACAGGGT	TGTTAGTTGT			ACTCTGACG	AAACTCAGT	TTACCGTACA	1800		
1801	TGGCTCTTA	TTGGGCTTGC	TATCCCTGAA			AATGACGGTG	GTGGCTCTGA	GGGTGGGGT	1860		
1861	TCTGAGGGT	GGGGTCTGA	GGGTGGGGT			ACTAAACCTC	CTGACTACGG	TGATACACCT	1920		
1921	ATTCGGGCT	TACTTATAT	AAACCTCTT			GACCCCACTT	ATCCGCTCG	TACTGAGCAA	1980		
1981	AACCCCTTA	ATCTTAATCC	TTCTTCTGAG			GAGTCTCAGC	CTCTTAATAC	TTTCTATGTTT	2040		
2041	CAGAAATAA	GGTTCCCAA	TAGCCAGGG			CCATTAAC	TTTACGCGG	CACTGTTACT	2100		
2101	CAAGCCACTG	ACCCCTTAA	AACTTATTAC			CACTACACTC	CTGATCTAC	AAAGCCATG	2160		
2161	TATGACCTT	ACTGGACGG	TAATTCAAGA			GACTGGCTT	TCATTCCTGG	TTTATGAA	2220		
2221	GATCCATTG	TTCTGAAATA	TCAAGCCAA			TCCGCTGACC	TCGCTCAACT	TCCTGTCAT	2280		
2281	GCTGGGGG	CTCTCTGTC	TGTTTCTGTT			GGGGCTCTG	AGGTGCTGG	CTCTGAGGGT	2340		
2341	GGGGGTTCTG	AGGGTGGGG	CTCTGAGGA			GGGGCTTCCC	GTGGTGGCTC	TGTTCCGGT	2400		
2401	GATTTGATT	ATGAAAGAT	GGCAAAACGT			AATAAGGGG	CTATCACCGA	AAATCCGGAT	2460		
2461	CAAAACCCG	TACAGCTGA	CGCTTAAAGGC			AAACTTGATT	CTGTCGCTAC	TCATTACGGT	2520		
2521	GCTGCTATCG	ATGCTTCTAT	TGTTGACGTT			TCCGGCTTC	CTATGGTAA	TGGTGTACT	2580		
2581	GGTGATTTG	CTGGCTCTAA	TTCCCAAATC			GCTCAAGTGC	GTGGCGGTGA	TAATTCAACCT	2640		
2641	TTAATGAA	ATTTGCTCA	ATATTACCT			TCCCTCCCTC	ATACGGTGA	ATGTCGGCT	2700		
2701	TTTGTCTTTA	GGCGCTGGAA	ACCATATGAA			TTTCTATG	ATTTGACAA	AAATAACTTA	2760		
2761	TTCCGCGTG	TCTTGGGTT	TCTTTTATAT			GTGGCCACCT	TTAGTATGT	ATTTCTACG	2820		
2821	TTTGTCAACA	TACTGGTAA	TAACGAGTGT			TAATGATGCC	AGTCTTTTG	GTATTCCTGT	2880		
2881	TATTATGCG	TTCTCTGGT	TCTCTCTGCG			TACTTTGTT	GGGTATCTC	CTTACTTTTC	2940		
2941	TTAAAGAGG	CTTCGGTAA	ATACCTATTG			CTATTCATT	CTTCTCTGCT	CTTATTAATG	3000		
3001	GGCTTAATC	AAATCTGTC	GGTTATCTCT			CTGATATTG	CCCTCAATT	CCCTCTGACT	3060		
3061	TTGTCGAGG	TGTTCACTTA	ATGCTCCGGT			CTAATGGCT	TCCTGTTTT	TAATGTTATC	3120		
3121	TCTCTGAAA	GGCTCTTATT	TCATTTTTCG			ACGTTAAACA	AAAATCGTT	TCTTAATGG	3180		
3181	ATGGGATAA	ATAATATGG	TGTTTATTTT			CTAATGGCA	AAATGGCTC	TGCAAGACG	3240		
3241	CTGGTACGG	TTGGTAAAGT	TCAGGATAAA			ATGCTAC	CTCTCAAAAT	ACGAACTAAAT	3300		
3301	CTTGAATTAA	GGCTTCAA	CTCTGGCGAA			CTGGGAGGT	TCCTAAANAC	GGCTGGGGTT	3360		
3361	CTTGAATAC	CGGATAAGCC	TGCTATATCT			GATTTGCTTG	CTATGGGGCG	CGGTAAATGAT	3420		
3421	TCTTACGGATC	AAAATAAAAA	GGGTTGCTT			GTGTCGATG	AGTGGGGTAC	TGTTTTAAAT	3480		
3481	ACCCCTCTT	GGAAATGATA	GGAAAGACAG			CCGATTATTG	ATGGTTTCT	ACATGCTGCT	3540		
3541	AAAATAGGAT	GGGAZATTAT	TITTCCTGTT			CAGGACTTAT	CTATGTTGA	TAACAGGG	3600		
3601	CGTTCTGCT	TAGCTGAA	TGTTCTTAT			TGTCGCTGTC	TCGACAAAT	TACTTTACCT	3660		
3661	TTTCTGGTA	CTTATATTC	TCTTATTACT			GGCTCGAAA	TCGCTCTGCG	TAATTACAT	3720		
3721	TTGCGCTT	TTAAATATGG	CGATTCCTAA			TAAGCCCTA	CTGTTGACCG	TTGGCTTAT	3780		
3781	ACTGCTAAGA	ATTCGATTA	CCCATATGAT			ACTAAACAGG	CTTTCTCTAG	TAATTACAT	3840		

FIGURE 2-2

HUSE P31 8882

3841 TCCCCGTCTT ATTCTTAAATT AACGCCCTAT 3900
 3901 AATTTAGCTC ACAAGATCA CCTTACTAAA 3960
 3961 TGTCTTGGCA TTGATTTGC ATCACCATT 4020
 4021 GAGGTAAAAA AGGTAGCTC TCAGACCTAT 4080
 4081 CACCGCTTAA ATCTAAGCTA TCGTATGTT 4140
 4141 AGCCACCGATT TACAGAACCA AGCTTATTCA 4200
 4201 ATTAAAAAAAG CTAAATTCAA TCAAATTGTT 4260
 4261 TGTCTTACATCA TCTCTTTG CTCACGTTAAT 4320
 4321 TGTAACTTGG TATCTAAAGC AATCAGCCG 4380
 4381 TACTCTTACT GTATATTCTC CTGACGTTAA 4440
 4441 TGTCTTACGT GCTAAATTAT TCTATATGGT 4500
 4501 TAATCCAAAC AATCAGGATT ATATTGATCA 4560
 4561 TGATAATTCC GCTCTTCTG GTGTTTCTT 4620
 4621 TTTTAAATT AATAACGTT CGCCAAAGGA 4680
 4681 GTCTAATACT TCTAAATCTT CAAATGTATT 4740
 4741 TAGTCACCT AAAGATAATT TAGATAACCT 4800
 4801 AACTGACCAAG ATATTGATG AGGGTTTGAT 4860
 4861 TTTTCAATTG CTGCTGGCT CTCACGGTGG 4920
 4921 CCTCACCTCT GTTTTACCTT CTGCTGGTGG 4980
 4981 AGGGCTATCA GTTCCGGCAT TAAAGACTAA 5040
 5041 TATCTTACG CTTTCAGTC AGAAGGGTTC 5100
 5101 TACTGGTCTG CTGACTCAGA AATCTCCCAA 5160
 5161 TCAAATGTA GGTATTTCGA TGAGGCTT 5220
 5221 TCTGGATATT ACCAGCAAGG CGGATAGTTT 5280
 5281 TACTAATCAA AGAAGTATTG CTACAACGGT 5340
 5341 CGGTGGCCCTC ACTGATTATA AAAACACTTC 5400
 5401 AATCCCTTAA ATCGGCCTCC TGTTTAGCTC 5460
 5461 ATACGTGCTC GTCAAAGCA CCATAGTACG 5520
 5521 GTGTGGTGTG TACCGCCAGC GTGACGGCTA 5580
 5581 TCGCTTCTT CCCTTCCCTT CTCCCCACGT 5640
 5641 GGGGCTCTCC TTAGGGTTC CTTTGTAGTC 5700
 5701 ATTTGGGTGA TGTTTACGT AGTGGGGCAT 5760
 5761 CGTTGGAGTC CACGTCTT AATAGTGGAC 5820
 5821 CTATCTCGGG CTATTCCTT GATTATAAG 5880
 5881 ACAGGAATTG CGCTCTCTGG GCAAACCAAG 5940
 5941 CCAGGGGCTG AAGGGCAATC AGCTGTTGCC 6000
 6001 GGGGCCAAAT ACGCAAAACG CCTCTCCCCG 6060
 6061 ACGACAGGT TCCCCTACTGG AAAGGGGGCA 6120
 6121 TCACTCATTA CGCACCCCTG GCTTACACT 6180
 6181 TTGTGAGCCC ATAACATTG CACACCGCT 6240
 6241 GTGACTGGCA AAACCTGGC GTTACCCAAAG 6300
 6301 AAGCACTATT GCACTGGCAC TCTTACCGTT 6360
 6361 CGCCCCAGTC CAGCTGCTCG AGTCAGGGCT 6420
 6421 CTAGGCTGAA GGCATGACCT CTCTTAAGGC 6480
 6481 TCACTACATT CGCTACGTT CGCTTATGGT 6540
 6541 TAAATTTTC AAAAGTTA CGACCAAGGC 6600
 6601 GATCGGCCATT CCCAACAGTT GGGCAGGCTG 6660
 6661 CGACCTAGAG CGGTGGCCGA AAGCTGGCTG 6720
 6721 CTGCTCCCCCT CAACTCGA GATCCACGGT 6780
 6781 TATCCATTAA CGCTCAATC GGGTTTGTG 6840
 6841 CTCACATTA AAGTTGATCA AGGCTGGCTA 6900
 6901 GGGCTTCTA TTGGTTAAA AATGAGCTGA 6960
 6961 AAATATTAAAC GTTACAAAT TAAATTTTG 7020
 7021 TCTGATTATC AACCGGGTCA CATACTATTC 7080
 7081 ATTCCTTCTG TTGCTCCAGA CTCTCAGGCT 7140
 7141 AAATAGCTAC CCTCTCGGGC ATTAATTCTAT 7200
 7201 GTGATTTGAC TGTCTCGGGC CTTTCCTCACC 7260
 7261 CGATTCGATT TAAATATAAT GAGGGTTCTA 7320
 7321 CTCTCTCCCG AAGAGTATAA CACGGCTCAT 7380
 7381 CCTCTGAGGC TTATGCTT AATTTTGCTA 7440
 7441 ACGTT 7445

1 10 1 20 1 30

1 40 1 50 1 60

FIGURE 3-1

M13X11

	1	10	1	20	1	30		1	40	1	50	1	60
1	AAT	CCCTACTA	CTATTAGTAG	AATTGATGCC			ACCTTTTCAG	CTCCGGCCCC	AAATGAAAAT	60			
61	ATACCTAAAC	AGGTTATICA	CCATTTGGCA				AATGTATCTA	ATGGTCAAAC	TAATATCTACT	120			
121	CGTTCCCAAGA	ATTCGGAAATC	AACTGTGTTA				TGGAATGAAA	CTTCAGACAA	CCCTACTTTA	180			
181	GTTCGATATT	TAACACATGT	TGAGCTACAG				CAACAGATTC	AGCAATTAAAG	CTCTAAGCCA	240			
241	TCCGCAAAAAA	TGACCTCTTA	TCAAAAGGAG				CAATTAAAGG	TACTCTCTAA	TCCTGACCTG	300			
301	TTGGAGTTTG	CTTCCGGCT	GGTTGGCTTT				GAAGCTCGAA	TTAAACCGGG	ATATTTGAAG	360			
361	TCTTTCGGGC	TTCCCTCTAA	TCTTTTGTAT				GCAATCCGCT	TTGCTCTGAA	CTATAATAGT	420			
421	CACGGTAAAG	ACCTGATTTT	TGATTTATGG				TCATTCTCGT	TTTCTGAACT	GTTTAAAGCA	480			
481	TTTGAGGGGG	ATTCATGAA	TATTTATGAC				GATTCGGGAG	TATGGACGCG	TATCCGACTGT	540			
541	AAACATTTA	CTTACACCC	CTCTGGCAAA				ACTTCTTTC	CAAAGCCTC	TCGCTATTTT	600			
601	GGTTTTATC	GTGGCTGGT	AAACGAGGGT				TATGATAGT	TTGCTCTTAC	TATGCTCTGT	660			
661	AAATCCCTTT	GGCCGTATGT	ATCTGCTTAA				GTGAAATGIG	GTATTCCTAA	ATCTCAACTG	720			
721	ATGAATCTTT	CTACCTGAA	TAATGTGTTT				CCGTTACTTC	GTTTTATTAA	CGTAGAATT	780			
781	TCTTCCCAAC	GTCTGACTG	GTATAATGAG				CCAGTTCTA	AAATCCATA	AGGTAATTCA	840			
841	CAATGATTA	AGTTGAAATT	AAACCATCTC				AAGCCCAATT	TACTACTCGT	TCTGGCTTTT	900			
901	CTCCCTAGGG	CAAGCTTAT	TCACTGAAAG				AGCAGCTTIG	TTACGTGAT	TTGGGTAATG	960			
961	AAATATCCGGT	TCTTGTCAAG	ATTACTCTTG				ATGAAGCTCA	GCCAGCCAT	GGCCCTGGTC	1020			
1021	TCTACACCCG	TCATCTGTC	TCTTTCAG				TTGGCTCGT	CGGTTCCTT	ATGATTGACC	1080			
1081	GTCTGGCGCT	CGGTTCGGCT	AGTAACTGAG				GAGCAGGTCG	CGGATTTCAA	CACAATTAT	1140			
1141	CAGGGATGTA	TACAAATCTC	CGTTGACTT				TGTTTCCGGC	TTGGTAAAT	CGCTGGGGGT	1200			
1201	CAAAGATGAG	TGTTTGTAGT	TATTCCTTCG				CCCTTTCTGT	TTTACGGTTGG	TGCCCTCGTA	1260			
1261	CTGGCATTAC	GTATTTTAC	CGTTTAAATGG				AAACTTCCTC	ATGAAAAGT	CTTACTGCT	1320			
1321	CAAAGCTCT	GTACCGGTTG	CTACCCCTGT				TCCGATCTG	TCTTCCGCTG	CTGAGGGTGA	1380			
1381	CGATCCCCCA	AAAGGGGCT	TAAACTCCCT				GCAAGCTCA	GGCACCGAAAT	ATATGGTTA	1440			
1441	TCCGTGGCG	ATGGTGTGTC	TCATTTGCG				CGCAACTATC	GGTATCAAGC	TGTTTAAGAA	1500			
1501	ATTCACCTCG	AAACCGAGCT	CATAAAGCGA				TACAATTAAA	GGCTCTTTT	GGAGCCTTTT	1560			
1561	TTTTGGAGA	TTTCAACGT	AAAAAAATTA				TTATTCGCA	TTCTTTAGT	TGTTCTTTC	1620			
1621	TATTCCTACT	CCGCTGAAAC	TGTTGAAAGT				TGTTTACCAA	AACCCCATAC	AGAAAATTCA	1680			
1681	TTTACTAAGC	TCTGGAAAGA	CGACAAAATCT				TTAGATCGT	ACCGTAACTA	TGAGGGTGT	1740			
1741	CTGTCGAATC	CTACAGGGT	TGTAAGTTGT				ACTGGTCAAG	AAACTCAGT	TTACGGTACA	1800			
1801	TGGGTTCCTA	TTGGGCTTGC	TATCCCTGAA				AATGAGGTC	GTGGCTCTGA	GGGTGGGGGT	1860			
1861	TCTGAGGGT	GGCGTTCTGA	GGGTGGGGGT				ACTAAACCTC	CTGACTACGG	TGATACACCT	1920			
1921	ATTCGGGGCT	ATACTTATAT	CAACCCCTCTC				GACGGCACTT	ATCCCCCTGG	TACTGACCAA	1980			
1981	AAACCCGCTA	ATCTTAATCT	TTCTCTTACG				GACTCTCAGC	CTTTAAATAC	TTTCATGTTT	2040			
2041	CAGAATAATA	GGTTCCAAA	TAGCCAGGGC				CCATTAACTG	TTTATACGGG	CACTGTTACT	2100			
2101	CAAGGCACTG	ACCCGGTTAA	AACTTATAC				CACTACAC	CTGTATCATC	AAAAGCCATC	2160			
2161	TATGACCGCTT	ACTGGACACG	TAAATTCAGA				GAETGCCCTT	TCCATTCGG	CTTTAAATGAA	2220			
2221	GATCCATTG	TTTGTCAATA	TCAAGGCCAA				TGGCTGCAAC	TGCCCTCAACC	TCTGTCTCAT	2280			
2281	GCTGGGGGGG	GTCTCTGCG	TGGTTCTGCT				GGCCCTCTC	AGGGTGGTGC	CTCTGACGGT	2340			
2341	GGCGGTTCCTG	AGGGTGGGGG	CTCTGAGGGA				GGGGGTTCCC	GTGGCTGGCTC	TGTTTCCGGT	2400			
2401	GATTTGATT	ATGAAAAGAT	GGCAAAACGT				AAATAAGGGG	CTATCACCGA	AAATGCCCAT	2460			
2461	AAAAACCCCG	TACAGTCTGA	CGCTAAAGGC				AAACTTGATT	CTGTCTCTAC	TGATTACGGT	2520			
2521	GCTCTCTATCC	ATGGCTTAT	TGCTGACGGT				TCCGGCTTC	CTAATGCTAA	TGCTGCTACT	2580			
2581	GGTGATTTG	CTGGCTCTAA	TCTCCAAATG				GCTCAACTG	GTGACGGTGA	TAATTACACCT	2640			
2641	TTAATGAAATA	ATTTCTCTA	ATATTTACCT				TCCCTCCCTC	AAATGTTGA	ATGTCGGGCT	2700			
2701	TTTCTCTTTA	GGCGCTGGAA	ACCATATGAA				TTTCTATATG	ATTTGACAA	AAATAACTTA	2760			
2761	TTCCGTGGTG	TCTTGGCT	TCTTTTATAT				GTGCGCACCT	TTAATGATGT	ATTTTGAGG	2820			
2821	TTTGTCAACA	TACTGGAA	TAAGGAGTCT				TAATCATGCC	AGTTCTTTG	GTATTCGGGT	2880			
2881	TATTAATGGC	TTTCTCTGGT	TCTCTCTCTGG				TAATTTGTT	CGGCTATCTG	CTTACTTTTC	2940			
2941	TTAAAAGGG	CTTCGGTAAAG	ATAGCTATG				CTATTTCTT	GTTCCTGCT	CTTATTATG	3000			
3001	GGCTTAATCTC	AAATTCCTG	GGTTATCTCT				CTGATATAG	CGCTAAATT	CCCTCTGACT	3060			
3061	TGTTTCAGGG	TGTTCTGAGT	ATTCCTGGGT				CTAATGCCCT	TGCCCTTTT	TAIGTTTATTC	3120			
3121	TCTCTGTAAA	GGCTCTTAT	TTCATTTTGT				ACCTTAACAA	AAAAATCGTT	TCTTATTGTC	3180			
3181	ATTCGGATAAA	ATAATAAGCC	TGTTTATTTT				CTAATGCGCA	AAATTAGCTC	TGCAAAACGCC	3240			
3241	CTCCGTAGGG	TTGGTGAAGT	TCAGGATNAAA				ATTCGAGCTG	GGTCCAAAT	AGCAACTTA	3300			
3301	TTTGATTAA	GGCTTCAAA	CTCTGGGGAA				GTGGGGAGG	TGCCCTAAAC	GGCTGGGGTT	3360			
3361	TTTGAATAC	CGGATAAGCC	TCTATATCT				GATTTGGTIG	CTATGGGCG	CGCTAAATGAT	3420			
3421	TCTTACGGATG	AAAATAAA	CGGCTTGGTT				GTTCCTGGATG	AGTGGGGTAC	TTGGTTTAAAT	3480			
3481	ACCCGTTCTT	CGAATCTAA	CGAAAGACAG				CCGATTTATG	ATTCGTTCT	ACATGCTCGT	3540			
3541	AAATTAGGAT	GGCATATAT	TTCCTCTGTT				CAGGACTTAT	CTATGTTGA	TAACAGGGC	3600			
3601	CGTTCTGCAAT	TAGCTGAA	TGTTGTTTAT				TGTCGCTGTC	TGGACAAAT	TACTTTACCT	3660			
3661	TTTGTGGTAA	CTTATATTC	TCTTATTACT				GGCTGGAAA	TGGCTCTGCC	TAATTACAT	3720			
3721	CTTCCGCGCTTC	TTAAATAGC	CGATTCTCAA				TTAACCCCTA	CTGTTGAGGG	TTGGCTTTAT	3780			
3781	ACTCGTAAGA	ATTTGATATA	CCCATATGAT				ACTAAACAGC	CTTTTCTAG	TAATTATGAT	3840			

FIGURE 3-2

3841	TCCGGTGT	TTT	ATCTTA	TTT	AACCC	TTT	ATATC	ACAC	GG	CTCC	GT	TTT	CAAA	CCATT	AA	3900
3901	AATTAGGTC	AGAAGATG	GA	CTTAACTAA	AA	ATATTTG	ATATA	ACCC	AA	CCCG	TTT	CTT	TTT	CC	CC	3960
3961	TGTCTTGC	GA	TTGGATT	TC	ACAC	TTT	ACAT	ATAG	TT	ATATA	ACCC	AA	ACCTAAG	GGCC	0020	
4021	GAGGTTAAA	AA	GGTAGTC	TC	ACAC	TTT	GATTT	GATA	AA	TTCA	ACTA	TT	TGACT	CTT	CT	4080
4081	CAGCGTCTT	AA	CTCTAAGCT	TC	CC	TTG	TCAAG	GATT	AA	CTCA	ACG	AA	TTAATTAA	AT	4140	
4141	AGCCACGATT	TACAC	AGCA	AGGT	TATTC	TC	CTCAC	ATATA	TTG	TTC	TTATG	TC	TACTG	TTT	CC	4200
4201	ATTA	AAA	AGG	GTAA	TCTAA	TC	AAATG	TTG	AA	ATG	TAATT	TTT	TCTT	GATG	TT	4260
4261	TGTTTCATCA	TCTT	CTT	CTT	CTCAGG	TAAT	TGAA	ATG	AA	ATG	ATGAA	TTT	TCTT	GCC	TC	4320
4321	TGTAACCTGG	TATTC	AAAGC	AA	TCAGG	CCGA	ATCCG	TTT	ATC	GGT	CTCC	CC	ATG	TTAAAGC	AA	4380
4381	TACTGTTACT	GTAT	ATTC	CT	TCAGC	TTAA	ACCTG	AA	CTA	CC	AA	TTT	ATTC	TTT	CC	4440
4441	TGTTTACGT	GCTA	ATAA	TTT	TCAT	ATG	TGTT	TC	CTT	CC	CAT	AA	TC	AGAAG	TA	4500
4501	TAATCCAAAC	AATC	AGG	GATT	ATATG	ATG	ATGCC	ATCA	TCT	TGATA	ATATC	AGGA	AT	ATGAT	ATGA	4560
4561	TGATAATTCC	GT	CTCTT	CTG	GTG	TTT	TGTT	CCG	AA	ATG	ATAATG	TT	ACTC	AAAC	TC	4620
4621	TTTTAAAATT	AAT	AACTC	GGG	AAAGG	AAAGG	TTTA	ATAC	GG	TTT	GCAAT	TT	TGTT	GTA	AA	4680
4681	CTCTAATACT	TCTA	AAAT	CT	AAAT	TGTT	ATCTAT	TC	CT	CTA	ATC	TT	TATT	ATG	TC	4740
4741	TAGTGCACCT	AAAG	ATAIT	TT	TAGA	AACT	TGTC	AA	CTT	TCT	TA	TT	TGAT	TTG	CC	4800
4801	AACTGACCAAG	ATATG	ATG	AGGG	TTGAT	GT	ATTGAGG	TT	TTT	ACT	GGG	TT	ATG	TTAG	AG	4860
4861	TTTTTCATTT	CTG	CTG	GGG	CTCAG	GGG	CTCAG	GGG	GGG	CTG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	4920
4921	CCTCACCTCT	TTTT	ATCT	CTG	CTG	GGT	TTGTT	GGG	TTT	GGG	TTG	GGG	TTT	GGG	GGG	4980
4981	AGGGCTATCA	GT	TC	CCC	CA	AA	AGGACT	AA	AGG	GGG	ATG	GGG	GGG	GGG	GGG	5040
5041	TATTCTTACG	CTT	TCAGG	TC	AGAAG	GGT	TATC	CTG	GGC	AGA	AA	TTT	TTT	TTT	TTT	5100
5101	TACTCGTCG	GT	ACTG	GGTC	AA	TCG	CC	TGAA	AA	TCG	AA	TTT	CC	TTT	CC	5160
5161	TCAAAATGTA	GT	ATTT	TC	TGAG	TTT	TCTG	TC	TC	TC	ATG	CT	TT	TC	TC	5220
5221	TCTGGATATT	AC	CCAC	GGG	CCG	ATG	CTG	CT	GGT	CTT	ACT	GGG	AA	TC	TT	5280
5281	TACTAATCA	AGA	AGT	ATG	CTAC	ACGGT	TAATT	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	5340
5341	CGGTGGCTC	ACT	GATT	ATA	AA	AAAC	CTTC	TCAG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	5400
5401	AAATCCC	TTA	ATCCC	CTC	TGTT	AGTC	CGG	CTG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	5460
5461	ATACGTGTC	GT	CAAA	GGAA	CC	ATAG	CTG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	5520
5521	GTGTGGTGGT	TA	CCCC	GGG	GTGAC	GGT	CACT	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	5580
5581	TGGCTTCTT	CC	CTTC	CTT	CTG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	5640
5641	GGGGCTCCC	TT	TA	GGG	TC	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	5700
5701	ATTTGGGTGA	TTG	TTG	GGG	ATG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	5760
5761	CGTTGGAGTC	AC	GGT	CTT	AA	ATG	TGAC	TCTG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	5820
5821	CTATCTGGG	CTA	TTT	TTT	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	5880
5881	ACAGGATT	TTT	CCC	TGTC	GG	AAAC	GG	GGT	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	5940
5941	CCAGGGGTC	AG	GGG	AAAT	GG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	6000
6001	GGGGCCAA	AT	GGG	AAAC	GG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	6060
6061	ACGACAGGT	TT	GGG	ACTG	GG	AAAGGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	6120
6121	TCACTCATTA	GG	CA	CC	GG	TTT	ACACT	GG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	6180
6181	TTGTCAGGG	AA	AA	AA	CA	ACAC	GG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	6240
6241	TACGGCAGCC	GG	GG	GG	TG	GGG	TATT	CTG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	6300
6301	GACCCAGACT	CC	AGA	ATTC	AA	ACAC	AA	AGT	TTA	CT	AA	AC	TT	GGG	GGG	6360
6361	CTGGCCGTC	TT	TA	CA	GG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	6420
6421	CCTTCCAGAA	TT	CC	CC	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	6480
6481	TTCCCACAG	TT	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	6540
6541	AGGGTGGCC	GA	AGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	6600
6601	CTCAAACTGG	CA	AG	TC	GG	TT	AC	GG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	6660
6661	TACGGTCAAT	GGGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	6720
6721	TAATGTTGAT	GA	AAAG	GGG	TAC	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	6780
6781	TATGGGTAA	AA	ATG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	6840
6841	ACGGTTACAA	TT	AA	AA	TT	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	6900
6901	TCACACGGGG	TA	CA	TA	GG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	6960
6961	GTGTCCTCA	GA	CT	CT	GG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	7020
7021	ACCTCTCCC	CC	TT	TT	TT	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	7080
7081	ACTGTCCTC	GG	TT	TT	TT	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	7140
7141	TTTAAATAT	ATG	GGGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	7200
7201	GC	AAA	AGT	AT	GGGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	7260
7261	GGTTTATTGC	TTA	TTT	TTG	TTA	TTT	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	GGG	7321

1 10 1 20 1 30

1 40 1 50 1 60

FIGURE 4-1

IX13

	10	20	30	40	50	60
1	AATGCTACTA	CTATTAGTAG	AATTGATGCC	ACCTTTCA	CTCGGCC	AAATGAAAT
61	ATAGCTAAAC	AGGTTATTGA	CCATTGCGA	AATGTATCTA	ATGGTCAAAC	AAATCTACT
121	CGTTCGAGA	ATTGGGAATC	AACTGTTACA	TGGAATGAAA	CTTCCAGACA	CCGTACTTAA
181	GTTGCATATT	AAAACATGT	TGAGCTACAG	CACCAAGATC	ACCAATTAAAG	CTCTAACCCA
241	TCCGCAAAA	TGACCTCTTA	TCAAAAGGAG	CAATTAAAGG	TACTCTCTAA	TCCTGACCTG
301	TGGAGTTG	CTTCCGGTCT	GGTCGCTTT	GAAGCTCGA	TTAAACGCG	ATATTGAAAG
361	TCTTCGGGC	TTCTCTTAA	TCTTTTGT	GCAATCCGCT	TTGCTTCTGA	CTATAATAGT
421	CAGGGTAAAG	ACCTGATTT	TGATTATGG	TCATTCTCGT	TTTCTGA	ACT GTTAAAGCA
481	TTTGAGGGGG	ATTCAATGAA	TATTTATGAC	GATCCGGCAG	TATTGGACGC	TATCCAGTCT
541	AAACATTTA	CTATTACCCC	CTCTGGCAA	ACCTCTTTG	CAAAGCCCTC	TCGCTATT
601	GGTTTTATC	GTCGCTGGT	AAACGAGGGT	TATGATAGTG	TTGCTCTTAC	TATGCCCTCGT
661	AATTCCCTT	GGCGTTATGT	ATCTGCATTA	GTGAAATGTG	GTATTCCCTAA	ATCTCAACTG
721	ATGAATCTT	CTACCTGTAA	TAATGGTGT	CCGTTAGTTC	GTTTTATTAA	CGTAGATT
781	TCTTCCCAAC	CTCCGTACTG	GTATAATGAG	CCAGTTCTTA	AAATCGCATA	AGGTAATTCA
841	CAATGATTAA	AGTTGAAATT	AAACCATCTC	AGCAGCTTG	TTACGTTGAT	TTGGGTAAATG
901	CTCGTCAGGG	CAAGCCTT	TCACTGAATG	ATGAAGGTCA	GCCAGCCTAT	GCGCCTGGTC
961	AATATCCGGT	TCTTGTCAAG	ATTACTCTG	TTGGTCAGTT	CGGTTCCCTT	ATGATTGACC
1021	TGTACACCGT	TCATCTGTCC	TCTTCAAAG	TTGGTCAGTC	AAACTCCCTC	ATGAAAAGT
1081	GTCTGCGCT	CGTTCGGCT	AACTAACATG	GAGCAGGTG	CGGATTTCGA	CACAAATTAT
1141	CAGGCATGA	TACAAATCTC	CGTTGACTT	TGTTTCGCGC	TTGGTATAAT	CGCTGGGGT
1201	CAAAGATGAG	IGTTTTAGTG	TATTCTTCG	CCTCTTCG	TTTAGGTTGG	TGCCCTCGTA
1261	GTGGCATTAC	GTATTTTAC	CGTTAATGG	AAACTCCCTC	ATGAAAAGT	CTTCTAGCCT
1321	CAAAGCCTCT	GTAGCCGGT	CTACCCCTCGT	TCCGATGCTG	TCTTCGCTG	CTGAGGGTGA
1381	CGATCCCCA	AAAGCCGCT	TTAACCTCCCT	GCAGGCCCTA	GGCACCGAAT	ATATCGGTA
1441	TGCGTGGCG	ATGGTTGTTG	TCATTGTCG	CCCAACTATC	GGTATCAAGC	TGTTTAAGAA
1501	ATTCACCTCG	AAAGCAAGCT	GATAAAACGA	TACAATTAA	GGCTCCTTT	GGACCCCTTT
1561	TTTTGGAGA	TTTCAACGT	GAAAAAAATT	TTATCGCAA	TTCTTCTAGT	TGTTCCCTTC
1621	TATTCTCACT	CCGCTGAAAC	TGTTGAAAGT	TGTTTAGCAA	AACCCCATAC	AGAAAATTCA
1681	TTTACTAACG	CTGGAAAGA	CGACAAAAC	TTAGATCGT	ACGCTAACTA	TGAGGGTTGT
1741	CTGTGGAATG	CTACAGGGT	TGTTGTTGT	ACTGGTACG	AAACTCAGTG	TTACGGTACA
1801	TGGGTTCTA	TTGGGCTTGC	TATCCCTGAA	ATGAGGGTG	GTGGCTCTGA	GGGTGGCGGT
1861	TCTGAGGGTG	GGGGTTCTGA	GGGTGGCGGT	ACTAAACCTC	CTGAGTACGG	TGATACACCT
1921	ATTCCGGCT	ATACCTAT	CAACCCCTC	GACGGCACT	ATCCGCCCTG	TACTGAGCAA
1981	AAACCCGCTA	ATCCTAATCC	TTCTCTGAG	GAGTCTCAGC	CTCTTAATAC	TTTCATGTTT
2041	CAGAATAATA	GGTTCGAAA	TAGGCAGGGG	GCATTAAC	TTTATACGGG	CACTGTTACT
2101	CAAGGCACTG	ACCCCGTAA	AACTTATTAC	CACTACACTC	CTGTATCATC	AAAAGCCATG
2161	TATGACGCTT	ACTGGAACGG	AAAATTCA	GACTGCGCTT	TCCATTCTGG	CTTTATGAA
2221	GATCCATTG	TTTGTGATA	TCAAGGCCA	TCGTCTGACC	TGCCCTCAACC	TCCTGTCAT
2281	GCTGGCGCG	GCTCTGGT	TGGTTCTGG	GGCGGCTCTG	AGGGTGGTGG	CTCTGAGGGT
2341	GGCGGTTCTG	ACGGTGGCG	CTCTGAGGG	GGCGGTTCCG	GTGGTGGCTC	TGGTCCGGT
2401	GATTTGATT	ATGAAAAGAT	GGCAAACGCT	ATAAAGGGG	CTATGACCGA	AAATGCCGAT
2461	GAAAACCGC	TACAGTCTGA	'CGCTAAGGC	AAACTTGT	CTGTCGCTAC	TGATTACGGT
2521	GCTGCTATCG	ATGGTTTCAT	TGGTACGTT	TCGGGCTTG	CTAATGGTAA	TGGTCTACT
2581	GGTGAATTG	CTGGCTCTAA	TTCCCCAATG	GCTCAAGTGC	GTGACGGTGA	TAATTCACT
2641	TTAATGAATA	ATTCCGTCA	ATATTACCT	TCCCTCCCTC	ATACGGTTGA	ATGCGCCCT
2701	TTTGTCTTA	GGCGTGGTAA	ACCATATGAA	TTTCTATTG	ATTGTGACAA	AATAAACCTA
2761	TTCCGTGGTG	TCTTTCGCTT	TCTTTATAT	GTTGCCACCT	TTATGTATGT	ATTTCTACG
2821	TTTGTCTAAC	TACTGCTAA	TAAGGAGTCT	TAATCATGCC	AGTTCTTGT	GGTATTCCGT
2881	TATTATGCG	TTTCTCTGGT	TTCTCTCTG	TAACTTTGTT	CGGCTATCTG	CTTACTTTTC
2941	TTAAAAGGG	CTTCGGTAAAG	ATAGCTATTG	CTCTGTTCT	GCTCTTATTA	TTGGCCTAA
3001	CTCAATTCT	GTGGGTTATC	TCTCTGATAT	TACGGCTCAA	TTACCCCTG	ACTTTCTCA
3061	GGGTGTTCA	TTAATTCTCC	CGTCTAATGC	GCTTCCCTGT	TTTATGTTA	TTCTCTCTGT
3121	AAAGGCTCT	ATTTTCATTT	TTGACGTTAA	ACAAAAAAATC	GTTTCTTATT	TGGATTGGGA
3181	TAAATAATAT	GGCTGTTAT	TTTGTAACTG	GCAAATTAGG	CTCTGAAAG	ACGCTCGTTA
3241	GCGTTGGTAA	GATTCAAGGAT	AAAATTGTAG	CTGGGTGCAA	AATAGCAACT	AATCTTGATT
3301	TAAGGCTTC	AAACCTCCCG	CAAAGCGG	GGTTCGCTAA	AACGCCCTCG	GTTCTAGAA
3361	TACCGGATAA	GCCTTCTATA	TCTGATTGTC	TTGCTATTG	GGCGGGTAAAT	GATTCCCTACG
3421	ATGAAAATAA	AAACGGCTTG	CTTGTCTCG	ATGAGTGC	TACTTGGTT	AATACCCGTT
3481	CTTGGAAATG	TAAGGAAAGA	CAGCCGATTA	TTGATTGGT	TCTACATGCT	CGTAAATTAG
3541	GATGGGATAT	TATTTCTT	TGTCAGGACT	TATCTATTGT	TGATAAACAG	GCCCGTCTG
3601	CATTAGCTGA	ACATGTTGTT	TATTGCTG	GTCTGGACAG	AATTACTTA	CCTTTGTCG
3661	GTACTTTATA	TTCTCTTATT	ACTGGCTCGA	AAATGCCCTC	GCCTAAATTA	CATGTTGGCG
3721	TTGTTAAATA	TGGCGATCT	CAATTAAGCC	CTACTGTTGA	GGCTTGGCTT	TATACTGGTA
3781	AGAATTGTA	TAACGCTAT	GATACTAAC	AGGTTTTTC	TAGTAATTAT	GATTCCGGTG
						3840

FIGURE 4-2

3841	TTTATTCTTA	TTAACGCCT	TATTTATCAC	ACGGTCGGTA	TTCAAAACCA	TTAAATTAG	3900
3901	GTCAGAAGAT	GAAGCTACT	AAAATATATT	TGAAAAAGTT	TTCACCGGT	CTTTGTCTTG	3960
3961	CGATTGGATT	TGCATCAGCA	TTTACATATA	GTATATAAC	CCAACCTAAG	CCGGAGGTTA	4020
4021	AAAAGGTAGT	CTCTCAGACC	TATGATTTC	ATAAAATTCAAC	TATTGACTCT	TCTCAGCGTC	4080
4081	TTAATCTAAG	CTATCGCTAT	GTTCAGG	ATTCTAAGGG	AAAATTAATT	AATAACGGACG	4140
4141	ATTTACAGAA	CCAAGGTAT	TCACTCACAT	ATATTGATTT	ATGTACTGTT	TCCATTAAAA	4200
4201	AAGGTAATT	AAATGAAATT	GTAAATGTA	ATTAATTITG	TTTCTTGAT	TTTGTCTCA	4260
4261	TCATCTCTT	TTGCTCAGGT	ATTGAAATG	AATAATTCGC	CTCTCGCGA	TTTGTAACT	4320
4321	IGGTATCAA	AGCAATCAGG	CGGATCCGT	ATTGTTTCCTC	CCGATGTTAA	AGGTACTGTT	4380
4381	ACTGTATATT	CATCTGACGT	TAACACGAA	AATCTACGCA	ATTCTCTTAT	TTCTGTTTTA	4440
4441	CGTGCTATA	ATTTGATAT	GGTGGTTCA	ATTCTTCCA	TAATTGAGAA	GTATAATCCA	4500
4501	AAACAATCAGG	ATTATATTGA	TGAATTGCCA	TCATCTGATA	ATCAGGATA	TGATGATAAT	4560
4561	TCCGCTCTT	CTGGTGGTTT	CTTGTTCGG	CAAATGATA	ATGTTACTCA	AACCTTTAAA	4620
4621	ATTAATAACC	TTCGGGCAA	GGATTTATAA	CGAGTTGTCG	AATTGTTGT	AAAGTCTAAT	4680
4681	ACTCTAAAT	CCTCAAATGT	ATTATCTATT	GACGGCTCTA	ATCTATTAGT	TGTTAGTGCA	4740
4741	CCTAAAGATA	TTTGTAGATAA	CCCTCCTCAA	TTCTTTCTA	CTGTTGATTT	GCCAACGTGAC	4800
4801	CAGTATTGTA	TTGAGGGTTT	GATATTGAG	GTCAGCAAG	GTGATGCTTT	AGATTTTCA	4860
4861	TTTGCTGCTG	GCTCTCAGCG	TGGCACTGTT	GCAGGGGTG	TTAATACTGA	CCGGCTCACC	4920
4921	TCTGTTTAT	CTTCTGCTGG	TGTTCTTC	GGTATTTTA	ATGGCGATGT	TTAGGGCTA	4980
4981	TCAGTTCGCG	CATTAAGAC	TAATAGCCAT	TCAAAAATAT	TGTCCTGCC	ACGTATTCTT	5040
5041	ACGCCCTTCAG	GTCAGAAGGG	TTCTATCTCT	GTTGGCCAGA	ATGTCCTTT	TATTACTGGT	5100
5101	CGTGTGACTG	GTGAATCTGC	CAATGTAAAT	AATCCATTTC	AGACGATTGA	GCGTCAAAAT	5160
5161	GTAAGTATT	CCATGAGGCT	TTTCTCTGT	GCAATGGCTG	GCGGTAATAT	TGTTCTGGAT	5220
5221	ATTACCAAGCA	AGGCCGATAG	TTGAGTTCT	TCTACTCAGG	CAAGTGTATGT	TATTACTAAT	5280
5281	CAAAGAAGTA	TTGCTAACAC	GGTTAATTG	CGTGTGAC	AGACTCTTTT	ACTCGGTGGC	5340
5341	CTCACTGATT	ATAAAACAC	TTCTCAAGAT	TCTGGCTAC	CGTTCCTGTC	AAAATCCCT	5400
5401	TTAATCGGCC	TCCTGTTAG	CTCCCGCTCT	GATTCCAACG	AGGAAAGCAC	GTATACGTG	5460
5461	CTCGTCAAAG	CAACCATAGT	ACCGCCCTG	TAGGGCGCA	TTAAGCCGG	CGGGTGTGGT	5520
5521	GGTTACCGCG	AGCGTGACCG	CTACACTTG	CAGGCCCTA	GGCCCCGCTC	CTTTCGCTTT	5580
5581	CTTCCCTTCC	TTCTCGCCA	CGGTCGCGG	CTTTCGGCT	CAAGCTCTAA	ATCGGGGGCT	5640
5641	CCCTTTAGGG	TTCCGATT	GTGCTTTACG	GCACCTCGAC	CCCAAAAAAC	TTGATTGGG	5700
5701	TGATGGTCA	CGTAGTGGGG	CATCGCCCTG	ATAGACGGTT	TTTCGCCCC	TGACGTTGGA	5760
5761	GTCCACGTT	TTTAATAGT	GACTCTTGT	CCAAACTGGA	ACAACACTCA	ACCCTATCTC	5820
5821	GGGCTATTCT	TTTGATTT	AAAGGGATTT	GGCGATTTCG	GAACCACAT	CAAACAGGAT	5880
5881	TTTCGCTCTG	TGGGCAAAC	CAGCGTGGAC	CGTTGCTG	AACTCTCTA	GGGCCAGGGC	5940
5941	GTGAAGGGCA	ATCAGCTGTT	GCCCCCTCG	CTGGTGA	AAAAACAC	CCTGGCCCCC	6000
6001	AATACGAAA	CCGCCCTCTCC	CCCGCGTTG	GCGGATTCTAT	TAATGCAGCT	GGCACGACAG	6060
6061	GTTCCTCCGAC	TGGAAAGGG	GCAGTGAGCG	CAACGCAATT	AATGTGAGTT	ACCTCACTCA	6120
6121	TTAGGCACCC	CAGGCTTAC	ACTTTATGCT	TCCGGCTG	ATGTTGTGTG	GAATTGTGAG	6180
6181	CGGATAACAA	TTTCACACGC	CAAGGAGACA	GTCATAATGA	AATACCTATT	GCCTACGGCA	6240
6241	GCCGCTGGAT	TTTGTATTACT	CCGTGCCAA	CCAGCCATGG	CCGAGCTCTT	CCCCCATCT	6300
6301	GATGAGGAGT	TGAAATCTGG	AACTGCCTCT	GTTGTG	TGCTGAATAA	CTTCATATCCC	6360
6361	AGAGAGGCCA	AAAGTACAGT	GAAGGTCGAT	AACCCCTCC	AATCGGGTAA	CTCCCAGGAG	6420
6421	AGTGTACAG	AGCAGGACAG	CAAGGACAGC	ACCTACAGCC	TCAGCAGCAC	CTGTACGCTG	6480
6481	ACCAAAGCAG	ACTACGAGAA	ACACAAAGTC	TACGGCTGG	AAGTCACCCA	TCAGGGCCTG	6540
6541	AGCTCGCCCG	TCACAAAGAG	CTTCAACAGG	GGAGAGTGT	CTAGAACGCG	TCACTTGGCA	6600
6601	CTGGCCGTG	TTTACAAACG	TGTCGACTGG	AAAAACCTG	GGCTTACCCA	AGCTTAATCG	6660
6661	CCTTGCAAGAA	TTCCCTTTCG	CGACGCGCG	TAATAGCGAA	GAGGCCCGCA	CCGATCGCCC	6720
6721	TTCCCAACAG	TTGGCGACCC	TGAATGGCGA	ATGGCGCTT	GGCTGGTTTC	CGGCACCCAGA	6780
6781	AGCGGTGCCG	GAAAGCTGCC	TGGAGTCCGA	TCTTCCTGAG	GCCGATACGG	TCTCGTCCC	6840
6841	CTCAAACCTGG	CAGATGCA	GTGATGATG	GCCCCATCTAC	ACCAACGTA	CCTATCCCCT	6900
6901	TACGGTCAAT	CCGCCGTTT	TTCCCACGGA	GAATCCGACG	GGTTGTACT	CGCTCACATT	6960
6961	TAATGTTGAT	GAAAGCTGGC	TACAGGAAGG	CCAGACGCGA	ATTATTTTG	ATGGCGTTCC	7020
7021	TATTGGTTAA	AAAATGAGCT	GATTTAACAA	AAATTAAACG	CGAATTTAA	CAAATATATA	7080
7081	ACGTTACAA	TTTAAATATT	TGCTTATACA	ATCTTCCTG	TTTGGGGCT	TTCTGATTA	7140
7141	TCAACCGGGG	TACATATGAT	TGACATGCTA	GTTTACGAT	TACCGTCTAT	CGATTCTCTT	7200
7201	GTTCGCTCCA	GACTCTCAGG	CAATGACCTG	ATAGCCTT	TAGATCTCTC	AAAATAGCT	7260
7261	ACCCCTCTCCG	GCATTAATT	ATCAGCTAGA	ACGGTTGAAT	ATCATATTGA	TGGTGTATTG	7320
7321	ACTGTCCTCCG	GCCTTCTCA	CCCTTTGAA	TCTTACCTA	CACATTACTC	AGGCATTGCA	7380
7381	TTTAAATAT	ATGAGGGTTC	AAAAATT	TATCCTGCG	TTGAAATAAA	GGCTTCTCCC	7440
7441	GCAAAAGTAT	TACAGGGTCA	TAATGTTTT	GGTACAACCG	ATTTAGCTTT	ATGCTCTGAG	7500
7501	GCTTATTG	TTAATTG	TAATTCTTG	CCTGGCTGT	ATGATTATT	CGATGTT	7557

| 10 | 20 | 30

| 40 | 50 | 60

FIGURE 5-1

EX34

	1	10	20	30	40	50	60
1	AATGCTACTA	CTATTAGTAG	AATTGATGCC	ACCTTTCAAG	CTCGCGCCCC	AAATGAAAAT	60
61	ATAGCTAAC	AGGTTATTGA	CCATTTCGGA	AATGTATCTA	ATGGTCAAAC	AAATCTACT	120
121	CGTTCGCAGA	ATTGGGAATC	AACTGTTACA	TGGAATGAAA	CTTCCAGACA	CCGTACTTTA	180
181	GTTCATATT	TAAAACATGT	TGAGCTACAG	CACCAAGATT	AGCAATTAAG	CTCTAAGCCA	240
241	TCTGAAAAAA	TGACCTCTTA	TCAAAAGGAG	CAATTAAGG	TACTCTCTAA	TCCTGACCTG	300
301	TTGGAGTTG	CTTCCGGTCT	GGTTCGCTT	GAAGCTCGAA	TTAAAACCGCG	ATATTGAAAG	360
361	TCTTCGGGC	TTCCCTTAA	TCTTTTGT	GCAATCCGCT	TTGCTTCTGA	CTATAATAGT	420
421	CAGGGTAAAG	ACCTGATT	TGATTTATGG	TCATTCCTCGT	TTCTGAACT	GTAAAGGCA	480
481	TTTGAGGGGG	ATTCATGAA	TATTTATGAC	GATTCCGAG	TATTGGACGC	TATCCAGTCT	540
541	AAACATTTA	CTATTACCCC	CTCTGGCAAA	ACTTCTTTG	CAAAGGCTC	TCGCTATT	600
601	GGTTTTATC	GTCGCTGGT	AAACGAGGGT	TATGATAGTG	TTGCTCTTAC	TATGCCTCGT	660
661	AATTCCCTT	GGCCTTATGT	ATCTGCATTA	GTTGAATGTG	GTATTCCTAA	ATCTCAACTG	720
721	ATGAATCTT	CTACCTGTAA	TAATGTTGTT	CCGTAGTT	GTAAAGGCA	CGTAGATTT	780
781	TCTTCCCAAC	GTCTGACTG	GTATAATGAG	CCAGTTCTTA	AAATCGCATA	AGGTAATTCA	840
841	CAATGATTAA	AGTGAATATT	AAACCATCTC	AAGCCAATT	TACTACTCGT	TCTGGTGT	900
901	CTCGTCAGGG	CAAGCCTTAT	TCACTGAAATG	AGCAGCTTG	TTACGTTGAT	TTGGGTAATG	960
961	AATATCCGGT	TCTTGTCAAG	ATTACTCTG	ATGAAGGTC	GCCAGCCTAT	GGCCCTGGTC	1020
1021	TGTACACCCT	TCAATGTC	TCTTTCAAGG	TTGGTCAGTT	CGGTTCCCTT	ATGATTGACC	1080
1081	GTCTCCGGCT	CGTCCGGCT	AGTAACATG	GAGCAGGTCG	CGGATTTGCA	CACAATTAT	1140
1141	CAGGCATGAA	TACAAATCTC	CGTTGTACTT	TGTTTCGCGC	TTGGTATAAT	CGCTGGGGT	1200
1201	CAAAGATGAG	TGTTTAGTG	TATTCTTCG	CCTCTTCGCT	TTAGGTTGG	TGCTTCGTA	1260
1261	GTGGCATTAC	GTATTTTAC	CGTTTAATGG	AAACTCCTC	ATGAAAAAGT	CTTGTACT	1320
1321	CAAAGCCTCT	GTAGCCGTTG	CTACCCCTCGT	TCCGATGCTG	TCTTCGCTG	CTGAGGGTGA	1380
1381	CAATCCCGCA	AAAGCCGCC	TAACTCCCT	GCAAGCCTCA	GGCAGCGAAT	ATATCGGTTA	1440
1441	TGCGTGGCGC	ATGTTGTTG	TCATGTCGG	CGCAACTATC	GGTATCAGC	TGTTTAAGAA	1500
1501	ATTCACCTCG	AAAGCAAGCT	GATAAACCGA	TACAATTAA	GGCTCCTTT	GGAGCCTTT	1560
1561	TTTTGGAGA	TTTCAACGT	GAAGAAATT	TTATTCGCAA	TTCTTTAGT	TGTTCCCTTC	1620
1621	TATTCTCACT	CCGCTGAAAC	TGTTGAAAGT	TGTTAGCAA	AAACCCATAC	AGAAAATTCA	1680
1681	TTTACTAACG	TCTGGAAAGA	CGACAAAAT	TTAGATCGTT	ACGCTAACTA	TGAGGGTTG	1740
1741	CTGTGGAATG	CTACAGGCGT	TGAGTTGTT	ACTGGTACG	AAACTCAGTG	TTACGGTACA	1800
1801	TGGGTTCTA	TTGGGCTTGC	TATCCCTGAA	AATGAGGTC	GGGGCTCTGA	GGGTGGCGGT	1860
1861	TCTGAGGGTG	GGGGTTCTGA	GGGTGGCGGT	ACTAAACCTC	CTGAGTACGG	TGATACACCT	1920
1921	ATTCGGGCT	ATACTTATAT	CAACCCCTC	GACGCCATT	ATCCGCCCTG	TACTGAGCAA	1980
1981	AACCCCGCTA	ATCTTAATCC	TTCTCTTGAG	GAGTCAGC	CTCTTAATAC	TTTCATGTT	2040
2041	CAGAATAATA	GGTCCGAAA	TAGGCAGGGG	GCATTAACG	TTATACGGG	CACTGTTACT	2100
2101	CAAGGCACTG	ACCCCGTTAA	AACTTATTAC	CAGTACACTC	CTGTATCATC	AAAAGCCATG	2160
2161	TATGACGCTT	ACTGGAACGG	TAATTCAAGA	GACTGCGCTT	TCCATTCTGG	CTTAAATGAA	2220
2221	GATCCATTG	TTTGTGAATA	TCAGGC	TCGTCGAC	TGCGCTAAC	TCCTGTCAT	2280
2281	GCTGGGGCG	GCTCTGGTGG	TGGTTCTGGT	GGCGGCTCTG	AGGGTGGTGG	CTCTGAGGGT	2340
2341	GGCGGTTCTG	AGGGTGGCG	CTCTGAGGG	GGCGGTTCCG	GGGGTGGCTC	TGGTCCGGT	2400
2401	GATTTGATT	ATGAAAAGAT	GGCAAAAGCT	AATAAGGGG	CTATGACCGA	AAATGCCGAT	2460
2461	GAAAAGCGC	TAACGCTGA	CCCTAAAGGC	AAACTGATT	CTGTCGCTAC	TGATTACGGT	2520
2521	GCTGCTATCG	ATGTTTCAT	TGTTGACGTT	TCCGGCTT	CTAATGGTAA	TGGTGCCTACT	2580
2581	GGTGATTTG	CTGGCTCTAA	TTCCCCAAATG	GCTCAAGTCG	GTGACGGTGA	TAATTACCC	2640
2641	TTAATGAATA	ATTTCCGTCA	ATATTTACCT	TCCCTCCCTC	AATCGGTTGA	ATGTCGCCCT	2700
2701	TTTGCTTTA	GGCCTGGTAA	ACCATATGAA	TTTCTTATTG	ATTGTGACAA	AATAAACTTA	2760
2761	TTCCGTGGTG	TCTTTCGTT	TCTTTTATAT	GTTGCCACCT	TTATGTATGT	ATTTTCTACG	2820
2821	TTGCTAACA	TACTGCGTAA	TAAGGAGTCT	TAATCATGCC	AGTTCTTTG	GGTATTCGGT	2880
2881	TATTATTGCG	TTTCTCTGG	TTCTCTTCTG	TAACCTTGTT	CGGCTATCTG	CTTACTTTTC	2940
2941	TTAAAAAGGG	CTTCGGTAAG	ATAGCTATTG	CTATTCATT	GTTCCTTGCT	CTTATTATTG	3000
3001	GGCTTAAC	AATCTTGTG	GGTTATCTCT	CTGATATTAG	CGCTCAATT	CCCTCTGACT	3060
3061	TTGTCAGGG	TGTTCAAGTA	ATTCTCCGT	CTAATGGCT	TCCCTGTTT	TATGTTATT	3120
3121	TCTCTGTAA	GGCTGCTATT	TTCAATTGTT	ACGTAAACAA	AAAAATCGTT	TCTTATTGTT	3180
3181	ATTGGGATAA	ATAATATGGC	TGTTTATT	GTAACGGCA	AATTAGGCTC	TGGAAAGACG	3240
3241	CTCGTTAGCG	TTGGTAAAGAT	TCAGGATAAA	ATTGTAGCTG	GGTGAAAT	AGCAACTAA	3300
3301	CTTGATTTAA	GGCTTCAAAAA	CCTCCCGCAA	GTCGGGAGGT	TCGCTAAAC	GCCTCGCGTT	3360
3361	CTTAGAATAC	CGGATAAGCC	TTCTATATCT	GATTGCTTG	CTATTGGGCG	CGGTAATGAT	3420
3421	TCTCTACGATG	AAAAAATAAA	CGGCTTCGTT	GTTCTCGATG	AGTGGCGTAC	TTGGTTAAAT	3480
3481	ACCCGTTCTT	GGGAATGATAA	GGAAAGACAG	CCGATTATTG	ATTGGTTCT	ACATGCTCGT	3540
3541	AAATTAGGAT	GGGATATTAT	TTTCTTGTG	CAGGACTTAT	CTATTGTTGA	TAAACAGGG	3600
3601	CGTCTCGAT	TAGCTGAACA	TGTTGTTAT	TGTGCGTC	TGGACAGAA	TACTTTACCT	3660
3661	TTTGTGGTGA	CTTTATATTC	TCTTATTACT	GGCTCGAAA	TGCGCTCTGCC	TAAATTACAT	3720
3721	TTTGTGGTGA	TTAAATATGG	CGATTCTCAA	TAAAGCCCTA	CTGTTGAGCG	TTGGCTTT	3780
3781	ACTCGTAAGA	ATTGTATAAA	CCCATATGAT	ACTAAACAGG	CTTTTCTAG	TAATTATGAT	3840

FIGURE 5-2

3841	TCCGGTGT	TTCTTATT	AACGCC	TTATCACAG	GTCCGT	AAACCA	3900	
3901	ATTTAGGTC	AGAAGATGAA	GCTTACTAA	ATATTTGA	AAAAGTTTC	ACGC	3960	
3961	TGTCTTGC	GA TTGGATTTG	ATCAGCATT	ACATATAGTT	ATATAACCC	ACCTAAG	4020	
4021	GAGGTTAAA	AGGTAGTCTC	TCAGACCTAT	GATTTGATA	AATTCACTAT	TGACTCTT	4080	
4081	CAGCGTCTT	ATCTAACGCT	TCGCTATGTT	TCAGGGATT	CTAAGGGAA	ATTAATTAA	4140	
4141	AGCGACGATT	TACAGAACG	AGGTTATTCA	CTCACATATA	TTGATTTATG	TACTGTT	4200	
4201	ATTAAGGAAAG	GTAATTCAA	TGAATTGTT	AAATGTAATT	AATTGTT	TCTTGA	4260	
4261	TGTTTCA	TCTTCTT	TCAGGTAAT	TGAAATGAAT	AATTGGCTC	TCCGCG	4320	
4321	TGTAAC	TATTCAAAGC	AATCAGGCGA	ATCCGGTATT	GTTCCTCCG	ATGTA	4380	
4381	TACTGTTACT	GTATATTCA	CTGACGTTA	ACCTGAAAAT	CTACGCCATT	TCTTATTC	4440	
4441	TGTTTACGT	GCTAATTATT	TTGATATGTT	TGGTCAATT	CCTTCATAA	TTCAGAAGT	4500	
4501	TAATCCAAAC	AATCAGGATT	ATATTGATGA	ATTGCCATCA	TCTGATAATC	AGGAATATGA	4560	
4561	TGATAATTCC	GCTCC	GTGGTTCTT	TGTTCCGCA	AATGATAATG	TACTCAAAC	4620	
4621	TTTAAATT	AATAACGTT	GGCAAAGGA	TTAATACGA	GTGTCGAAT	TGTTGTA	4680	
4681	GTCTAA	TCTAAATCCT	CAAATGTT	ATCTATTGAC	GGCTCTAATC	TATTAGTGT	4740	
4741	TAGTGAC	AAAGATATT	TAGATAACCT	TCCTCAATT	CTTCTACTG	TTGATTTGCC	4800	
4801	AACTGAC	ATATTGATTG	AGGGTTGAT	ATTTGAGGT	CAGCAAGGTG	ATGCTT	4860	
4861	TTTTCA	GCTGCTGG	CTCAGCGT	CACTGTTGCA	GGCGGTGTTA	ATACTGACCG	4920	
4921	CCTCAC	GT	CTGCTGGT	TCGTT	GGCGGTGTTA	ATGTCG	4980	
4981	AGGGCTATCA	GTTCGCG	CAT	GGCGT	GGCGATGTTT	GGCGATGTTT	5040	
5041	TATTCTTACG	CTTTCAG	TC	GGCC	AAATATTGT	CTGTGCCAG	5100	
5101	TACTGGT	GTGACT	GGT	CCAT	GGCAGAATG	TCCCTTTT	5160	
5161	TCAAATGTA	GGTATT	CC	CCATT	CCATTCAGA	CGATTGAGCG	5220	
5221	TCTGGAT	TTCAACG	GGCAAGG	TCCTG	ATGCGTGGCG	GTATATTGT	5280	
5281	TACTAATCA	AGAAGT	TTACACGGT	GAGTCTT	ACTCAGGCA	GTGATGTTAT	5340	
5341	CGGTGGC	CT	GGT	TCAG	GGCGTACCGT	TCTTGTCTAA	5400	
5401	AATCCCTT	ATCGG	CTT	TCCT	TCCAACGAGG	AAAGCACGTT	5460	
5461	ATACGTG	GTCAAA	GGCA	CCG	CCGCTGTAG	GGGGCATT	5520	
5521	GTGTTG	TACGCG	CG	CACT	GGCCCTAGCG	GGCGCGGGG	5580	
5581	TCGTTT	CCCTC	CT	GGCG	GGCGCTCCTT	GGCGCTCCTT	5640	
5641	GGGGGCT	TTAGGGT	CG	CC	TCGGCGCTT	TCGGCGCTAA	5700	
5701	ATTTGGT	TCGTT	CGAT	CC	GTGAAAGAA	AAACCAACCT	5760	
5761	CGTGGAG	TGAG	TTT	CC	CGCCCTGATA	GACGGTTT	5820	
5821	CTATCTGG	CTATT	TATT	CC	TCTTGTCCA	AACTGAAACA	5880	
5881	ACAGGATT	TTCC	GGT	CC	AAACCATAA	ACACTCAACC	5940	
5941	CCAGGCG	GTG	GGG	CC	CGTCTCGT	GTGAAAGAA	6000	
6001	GGC	AAAC	GGC	CC	CGCGTGGCC	GATTCA	6060	
6061	ACGACAG	TCC	GGT	CC	GTGAGCGAA	CGCAATT	6120	
6121	TCAC	TCA	GGC	CC	GTATGTTCC	GGTGTGAA	6180	
6181	TG	AAACAA	TTAC	CC	ACTTGC	GGCGTGTATG	6240	
6241	GTA	CTT	ACAG	CC	CTTGTACAT	TTGAGTAA	6300	
6301	AAGCA	ACT	GGC	CC	ACTGTTAC	CC	6360	
6361	CCAG	GGT	GAG	CC	ACCCCTCT	AAAGCACCT	6420	
6421	ACGGG	CTC	GG	CC	TTCCCGAAC	CGGTCACGGT	6480	
6481	TCAGG	GG	GG	CC	TTCCCGCT	TCCTACAGTC	6540	
6541	TACT	CC	GG	CC	TCCAGCAGT	GGGGCACCA	6600	
6601	TGCA	AC	GT	CC	AAGGTGACA	AAAGACGAGA	6660	
6661	TGTA	CT	AG	CC	CCGGACTACG	CTTCTTAGGC	6720	
6721	GAC	CTG	CA	CC	CAGGCAAGTG	GTAGT	6780	
6781	GCTT	GGT	AGT	GG	GCTACCATAG	GGATTA	6840	
6841	TTAC	GGT	AGT	GG	AAGAGGCC	CACCGATCG	6900	
6901	AGT	GGC	GG	CC	TGCGCTGTT	CTCCGCA	6960	
6961	CGGAA	AGT	GG	CC	AGGCGATAC	GGTGTGTC	7020	
7021	GGCAG	ATG	CA	CC	ACACCAACGT	AACCTATCCC	7080	
7081	ATCC	GGT	AG	CC	CGGGTTGTTA	CTCGCTAC	7140	
7141	ATGAA	AGT	GG	CA	GAATT	TGATGCGTT	7200	
7201	AAA	AA	GG	CA	CGCGAATT	AACAAATAT	7260	
7261	ATTT	AA	TTA	CC	GT	TTTCTGAT	TATCAACCG	7320
7321	GGT	AC	ATG	TT	ATTACCGTC	ATCGATTCTC	7380	
7381	CAGA	CTC	AC	TC	TGTAGATCTC	TCAAAATAG	7440	
7441	CGG	ATTA	TTA	TC	ATATCATATT	GATGCGATT	7500	
7501	CGG	CTT	TTG	TC	TACACATTAC	TCAGGCATTG	7560	
7561	ATATGAG	TCT	AAA	TC	CGTTGAAATA	AAGGCTTC	7620	
7621	ATTACAGG	CATA	TTT	CC	CGATTAGCT	TTATGCTCTG	7680	
7681	GCTTAA	TTT	TTT	CC	GTATGATT	TTGACGTT	7729	

1	10	20	30	40	50	60
---	----	----	----	----	----	----

FIGURE 6-1

1x60

	10	20	30	40	50	60
1	AATGCTACTA	CTATTAGTAG	AATTGATGCC	ACCTTTCA	CTCGCCCGCC	AAATGAAAAT
61	ATAGCTAAAC	AGGTATTG	CCATTGCGA	AATGTATCTA	ATGGTAAAC	TAAATCTACT
121	CGTTCGAGA	ATTGGGAATC	AACTGTTACA	TGGAATGAAA	CTTCCAGACA	CCGACTCTTA
181	GTTGCATATT	TAACCATGT	TGAGCTACAG	CAACAGATT	AGCAATTAAG	CTCTAACCCA
241	TCTCCAAAAA	TGACCTCTTA	TCAAAGGAG	CAATTAAGG	TACTCTCTAA	TCCTGACCTG
301	TTGGAGTTTG	CTTCCGGTCT	GGTCGCTT	GAAGCTCGA	TTAAAACCGG	ATATTGAAAG
361	TCTTCGGGC	TTCTCTTAA	TCTTTTGAT	GCAATCCGCT	TTGCTCTGA	CTATAATAGT
421	CAGGGTAAAG	ACCTGATTT	TGATTTATGG	TCATTCTCGT	TTTCTGAAC	GTTAAAGCA
481	TTTGGGGGG	ATTCAATGAA	TATTTATGAC	GATTCCGAG	TATTGGACGC	TATCCAGTCT
541	AAACATTTA	CTATTACCCC	CTCTGCGAAA	ACTTCTTTG	CAAAGCCTC	TCGCTATTTT
601	GGTTTATAC	GTCTCTGCT	AAACGAGG	ATATGAGT	TTGCTCTTAC	TATGCCCTCGT
661	AATTCCTTT	GGCCTTATGT	ATCTGATTA	GTGGAATG	GTATTCCTAA	ATCTCAACTG
721	ATGAATCTT	CTACCTGTA	TAATGTTGTT	CCGTTAGTC	GTTTTATTA	CGTAGATT
781	TCTTCCCAAC	GTCTGACTG	GTATAATGAG	CCAGTCTTA	AAATGCGATA	AGGTAAATTCA
841	CAATGATTA	AGTGAATT	AAACCATCTC	AAGCCCAATT	TACTACTCGT	TCTGGTGT
901	CTCTCAGGG	CAAGCCTTAT	TCACTGATG	AGCAGCTT	TTACGTTGAT	TTGGGTAATG
961	AATTCGGT	TCTTCTCAAG	ATATCTTG	ATGAAGGTCA	GCCAGCTAT	GCGCCTGGC
1021	TGTACACCCT	TCATCTGTCC	TCTTCCTAAAG	TTGGTCAGT	CGGTTCCCTT	ATGATTGACC
1081	GTCTCGGCCT	CGTTCGGCT	AAAGTAACATG	GAGCAGGTG	CGGATTTCGA	CAACATTAT
1141	CAGGGATGA	TACAAATCTC	CGTTGACTT	TGTTTCGCG	TTGGTATAAT	CGCTGGGGT
1201	CAAAGATGAG	TGTTTAGTG	TATCTTCG	CCTCTTCGT	TTAGGTTGG	TGCCTTCGTA
1261	GTGCCATTAC	GTATTTACC	CGTTTAATGG	AAACTCCCT	ATGAAAAGT	CTTTAGTCCT
1321	CAAAGCCTCT	GTACCCGTTG	TCACCCCTGT	CCGGATGCT	TCTTCGCTG	CTGAGGGTGA
1381	CGATCCGCA	AAAGCGGCCT	TTAACCTCC	GCAAGCCTCA	GGCACEGAAT	ATATGGTTA
1441	TGGCTGGCG	ATGGTTGTG	TCATTGTCGG	CGCAACTATC	GGTATCAAGC	TGTTAAGAA
1501	ATTCACTCG	AAACCAAGCT	GATAAACCGA	TACAATTAA	GGCTCCTTT	GGAGCCTTT
1561	TTTTGGAGA	TTTCAACGT	AAAAAAATTA	TTATTCGCAA	TTCTCTTATG	TGTTCTTTC
1621	TATTCCTACT	CCGCTGAAAC	TGTTGAAAGT	TGTTTAGCA	AACCCCATAC	AGAAAATTCA
1681	TTTACTAACG	TCTGGAAAGA	CGACAAAATC	TAGATCGTT	ACGCTAACTA	TGAGGGTTG
1741	CTGTGGAATG	CTACAGGCGT	TGTAGTTGT	ACTGGTACG	AAACTCAGT	TTACGGTACA
1801	TGGGCTCTA	TGGGCTTGC	TATCCCTGAA	AATGAGGTG	GTGGCTCTGA	GGGTGGCGG
1861	TCTGGGGTG	CGGGTCTG	GGGTGACGGT	ACTAACCTC	CTGAGTACGG	TGATACACCT
1921	ATTCGGGCT	ATACTATATA	CAACCCCTC	GACGGCACTT	ATCCGCTGG	TACTGAGCAA
1981	AACCCCGCTA	ATCCTAATCC	TCTCTTGTAG	GAGTCTCAGC	CTCTTAATAC	TTTCATGTT
2041	CAGAATAATA	GGTCCGGAAA	TAGGCAGGG	GCATTAACG	TTTATACGGG	CACTCTTACT
2101	CAAGGCACTG	ACCCGGTTAA	AACTTATTAC	CACTACACTC	CTGTATCATC	AAAAGCCATG
2161	TATGACGCTT	ACTGGAACGG	TTAAATTGAGA	GACTCCGCTT	TCCATTCTGG	CTTAAATGAA
2221	GATCCATTG	TTTGTGAATA	TCAAGGGCAA	TCGTCTGACC	TGCCCTAACCC	TCCCTGTCAAT
2281	GCTGGGGGG	GCTCTGGTGG	TGGTCTGGT	GGCGGCTCTG	AGGGTGGTGG	CTCTGAGGGT
2341	GGCGGTTCTG	AGGGTGGCGG	CTCTGAGGG	GGCGGTTCTG	GTGGTGGCTC	TGGTCTGGT
2401	GATTTGATT	ATGAAAAGAT	GGCAAACGCT	AATAAGGGGG	CTATGACCGA	AAATGCCGAT
2461	GAAAACGGCC	TACAGCTGA	CGCTAAAGGC	AAACTTGATT	CTGTCGCTAC	TGATTACGGT
2521	GCTGCTATCG	ATGGTTCAT	TGGTGA	TCCGGCCTTG	CTAATGTTAA	TGGTGTACT
2581	GGTGTGTTG	CTGGCTCTAA	TTCTCAAATG	GCTCAAGTCG	GTGACGGTGA	TAATTCAACCT
2641	TTAATGAATA	ATTCCTGTC	ATATTTACCT	TCCCCTCCCT	AATCGTTGA	ATGTCGCCC
2701	TTTGTCTTA	GGCGTGGTAA	ACCATATGAA	TTTCTATTG	ATGTCGACAA	AATAAACTTA
2761	TTCCGTGGTG	TCTTGTGTT	TCTTTTATAT	GTTGCCACCT	TTATGTTGATG	ATTTCTACG
2821	TTGCTCAACA	TACTGCTAA	TAAGGAGTCT	TAATCATGCC	AGTTCTTTG	GGTATTCCGT
2881	TATTATGCG	TTTCTCGGT	TGTTTATCTGG	TAACTTTGTT	GGCTATCTG	CTTACTTTT
2941	TTAAAAAGGG	CTTCGGTAAG	ATAGCTTGT	CTATTCTGAT	GTGTTGTTG	3000
3001	GGCTTAAC	AATTCTGTG	GGTTATCTCT	CTGATATTAG	CGCTCAATT	CCCTCTGACT
3061	TTGTCAGGG	TGTTCACTA	ATTCCTCCGT	CTCCCTCTT	TAATGTTATTC	3120
3121	TCTCTGTA	AAAAGCTCT	TTCAATTCTTG	ACGTTAAACA	AAAAATCGTT	TCTTATTG
3181	ATTGGGATAAA	ATAATATGGC	TGTTTATTTT	GTAACGGCA	AATTAGGCTC	TGAAAGACG
3241	CTCTTAGCG	TTGGTAAAGAT	TCAGGATAAA	ATTGAGCTT	AGCAACTAAT	3300
3301	CTTGATTTAA	GGCTCAAAA	CTCTCCGCAA	GTGGGAGGT	TCGCTAAAAC	GCCCTCGCGT
3361	CTTAGAATAC	CGGATAAGCC	TTCTATATCT	GATTTGCTTG	CTATTGGGG	CGGTAATGAT
3421	TCTCTGATG	AAAATAAAAA	CGGCTTGCTT	GTTCTCGATC	AGTGGGGTAC	TTGGTTAAT
3481	ACCCGGTCTT	GGAAATGATAA	GGAAAGACAG	CCGATTATTG	ATTGGTTCT	ACATGCTCGT
3541	AAATTAGGAT	GGGATATTAT	TGTTCTGGT	CAGGACTTAT	CTATTGTTGA	TAACAGGG
3601	CGTCTCGAT	TAGCTGAACA	TGTTTGTGTT	TGTCGCTG	TGGACAGAA	TACTTTACCT
3661	TTTGTGGTGA	CTTTATATTC	TCTTATTACT	GGCTCGAAAA	TGCCCTCTCC	TAATTAACAT
3721	TTTGTGGTGA	TTAAATATGG	CGATTCTCAA	TTAAGCCCTA	CTGTGAGGG	TTCGCTTTAT
3781	ACTGGTAAGA	ATTGTATAAA	CGCATATGAT	ACTAAACAGG	CTTTTCTAG	TAATTATGAT

FIGURE 6-2

HUSE P31 8882

3841 TCCGGTGTGTT ATTCTTATTT AACGGCTTAT
 3901 AATTAGGTC AGAAGATGAA CCTTACTAAA
 3961 TGTCTTCGGA TTGGATTTCG ATCAGGCTTT
 4021 GAGGTAAAAA AGGTAGTCTC TCAGACCTAT
 4081 CAGCGTCTTA ATCTAAGCTA TCGCTATGTT
 4141 AGCGACGATT TACAGAAGCA AGGTTATCTA
 4201 ATTAAAAAAAG GTAATTCAA TGAATTGTT
 4261 TGTTCATCA TCTTCTTTS CTCAAGGTAAT
 4321 TGTAACTTGG TATTCAGGAA ATTCAGGCGA
 4381 TACTGTTACT GTATATTCTC TCGACGTTAA
 4441 TGTTCAGT GCTAATAATT TTGATATGGT
 4501 TAATCCAAAC AATCAGGATT ATATTGATGA
 4561 TGATAATTCC GCTCTTCTG GTGGTTCTT
 4621 TTTTAAATT AATAACGTC GGGCAAGGA
 4681 GTCTAATACT TCTAACTCT CAAATGTT
 4741 TAGTGACCTT AAGAGTATTT TAGATAACCT
 4801 AACTGACCAAG ATATTGATTG AGGGTTGAT
 4861 TTTTCATTT GCTGCTGGCT CTCAAGGTGG
 4921 CCTCACCTCT GTTTTATCTT CTGGTGGTGG
 4981 AGGGCTATCA GTTCCGGCTA TAAAGACTAA
 5041 TATTCTTACG CTTTCAGGTC AGAAGGGTTC
 5101 TACTGGTCTG GTGACTGGTG AATCTGCCAA
 5161 TCAAAATGTA GGTATTCCA TGAGCGTTT
 5221 TCTGGATATT ACCAGCAAGG CGCATAGTTT
 5281 TACTAATCTA AGAAGTATTG CTACAAACGGT
 5341 CGGTGGCCTC ACTCATTATA AAAACACTTC
 5401 AATCCCTTA ATCCGCCCTC TTGTTAGCTC
 5461 ATACCGTCTC GTCAAAAGCAA CCATAGTACG
 5521 GTGTTGGTGT TACCCGGCAGC GTGACCGCTA
 5581 TCGCTTCTC CCCTCCCTT CTCCCCACGT
 5641 GGGGGCTCC TTTAGGGTTC GCAATTAGT
 5701 ATTTGGTGA TGGTTCACGT AGTGGGGCAT
 5761 CGTTGGAGTC CACGTTCTT AATAGTGGAC
 5821 CTATCTCGG CTATCTTTT GATTTATAAG
 5881 ACAGGATTTC CGCCTGCTGG CGCAACCCAG
 5941 CCAGGGGGT AAGGGCAATC AGCTGTTGCC
 6001 GGCCCCAAAT ACCCAAACCG CCTCTCCCG
 6061 ACGACAGGTT TCCCGACTGG AAAGCGGGCA
 6121 TCACTCTTA GGCACCCCAAG GCTTACACT
 6181 TTGTGAGCGG ATAACAATTG CACAGCCCAA
 6241 TACGGCAGCC GCTGGATTGT TATCTCGC
 6301 GCCATCTGA GAGCAGTGTGA AATCTGGAAC
 6361 CTATCCCAGA GAGGCCAAAG TACAGTGGAA
 6421 CCAGGAGAGT GTCACAGAGC AGGACAGCAA
 6481 GACCGCTGAGC AAAGGAGACT AGCAGAAAACA
 6541 GGGCCCTGAGC TCGCCCGTCA CAAAGAGCTT
 6601 CTTGGCACTG GCCCTCGTTT TACAACTGG
 6661 TTGTACATG GAGAAAATAA AGTGAACAA
 6721 CTGTTTACCC CTGTGGCAAA AGCCGCTCC
 6781 CCCTCCCTCA AGAGCACCTC TGGGGGCACA
 6841 TCCCCGAACG GGTGACGGTG TCGTGGAACT
 6901 TCCCCCTGTG CCTACAGTCTC TCAAGACTCT
 6961 CCAGCAGCTT GGGCACCCAG ACCTACATCT
 7021 AGGTCGACAA GAAGCAGAG CCTAAATCTT
 7081 CGGACTACGC TTCTTAGGTG GAAGGGGATG
 7141 AGGCAAGTGC TACTGAGTAC ATGGCTTACG
 7201 CTACCATAGG GATAAATTAA TTCAAAAATG
 7261 AGAGGCCCGC ACCGATGCC CTTCACCAACA
 7321 TGGCTGGTTT CCGGACCCAG AAGCGGTGCC
 7381 GGGCCGATACG GTCTCGTCC CCTCAAACCTG
 7441 CACCAACGTA ACCTATCTCA TTACGGTCAA
 7501 GGGTTGTTAC TCGCTCACAT TTATGTTGA
 7561 AATTATTTT GATGGGTTT CTATGGTTA
 7621 GCGAATTAA ACAAAATATT AACGTTTACA
 7681 TTTTCGGCC TTCTCTGATT ATCAACCGGG
 7741 TTACCGTCA TCGATTCTCT TGTGGCTCC
 7801 GTAGATCTCT CAAAATAGC TACCCCTCTCC
 7861 TATCATATTC ATGGTGTGATT GACTGTCTCC
 7921 ACACATTACT CAGGGATTGCC ATTAAAATA
 7981 GTTCAAAATAA AGGGCTCTCC CGCAAAAGTA
 8041 GATTAGCTT TATGCTCTGA GGCTTATTTG
 8101 TATGATTAT TGGACGTT